

## HOSPITAL GENERAL UNIVERSITARIO DE ELCHE. LABORATORIO DE GENÉTICA MOLECULAR

Dirección / Address: C/ Camino de Almazara, nº 11 03203 Elche (Alicante)

Norma de referencia / Reference Standard: **UNE-EN ISO 15189: 2013**

Actividad / Activity: Laboratorio clínico (Medical laboratory)

Acreditación / Accreditation nº: **1188/LE2293**

Fecha de entrada en vigor / Coming into effect: 12/02/2016

### ALCANCE DE LA ACREDITACIÓN SCHEDULE OF ACCREDITATION

(Rev.5 fecha 28/02/2020)

**GENÉTICA MOLECULAR / MOLECULAR GENETICS ..... 1**

#### GENÉTICA MOLECULAR / MOLECULAR GENETICS

ESPÉCIMEN / MUESTRA <i>Specimen/Sample</i>	PRUEBAS/ESTUDIOS <i>EXAMINATIONS</i>  Método <i>Method</i>	PROCEDIMIENTO (método comercial, procedimiento interno, protocolos reconocidos, equipos)  <i>PROCEDURES</i> (commercial methods, in-house methods, recognized protocols, equipment)
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Lynch por Secuenciación Sanger (genes: <i>MLH1, MSH2, MSH6</i> )  <i>Analysis of Lynch syndrome mutations by Sanger sequencing (genes: MLH1, MSH2, MSH6)</i>	Procedimiento interno  PNT05 Ed7  PNT03 Ed2
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Feocromocitoma-Paraganglioma Hereditarios por Secuenciación Sanger (genes: <i>SDHB, SDHC, SDHD</i> )  <i>Analysis of hereditary pheochromocytoma-paraganglioma syndrome mutations by Sanger sequencing (genes: SDHB, SDHC, SDHD)</i>	Procedimiento interno  PNT06 Ed7  PNT03 Ed2
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Cowden por Secuenciación Sanger (gen <i>PTEN</i> )  <i>Analysis of Cowden syndrome mutations by Sanger sequencing (gene PTEN)</i>	Procedimiento interno  PNT07 Ed8  PNT03 Ed2
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Peutz-Jeghers por Secuenciación Sanger (gen <i>STK11</i> )  <i>Analysis of Peutz-Jeghers syndrome mutations by Sanger sequencing (gene STK11)</i>	Procedimiento interno  PNT08 Ed9  PNT03 Ed2

ENAC reserves the right to be subject to possible modifications in the accreditation system of the accreditation operation for accreditation (ENAC) de las organizaciones internacionales de organismos de acreditación, ILAC e IAF (www.enac.es)

**Código Validación Electrónica:** F5H6L713c8M4Kik076

La acreditación mantiene su vigencia hasta notificación en contra. La presente acreditación está sujeta a modificaciones, suspensiones temporales y retirada.

Su vigencia puede confirmarse en <https://www.enac.es/web/enac/validacion-electronica> o haciendo clic **aquí**

<b>ESPÉCIMEN / MUESTRA</b> <i>Specimen/Sample</i>	<b>PRUEBAS/ESTUDIOS</b> <i>EXAMINATIONS</i> <b>Método</b> <i>Method</i>	<b>PROCEDIMIENTO</b> <i>(método comercial, procedimiento interno, protocolos reconocidos, equipos)</i> <b>PROCEDURES</b> <i>(commercial methods, in-house methods, recognized protocols, equipment)</i>
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Neoplasia Endocrina Múltiple de tipo 1 por Secuenciación Sanger (gen <i>MEN1</i> )  <i>Analysis of multiple endocrine neoplasia type-1 syndrome mutations by Sanger sequencing (gene MEN1)</i>	Procedimiento interno PNT09 Ed7 PNT03 Ed2
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Cáncer Gástrico Difuso Hereditario por Secuenciación Sanger (gen <i>CDH1</i> )  <i>Analysis of hereditary diffuse gastric cancer mutations by Sanger sequencing (gene CDH1)</i>	Procedimiento interno PNT11 Ed4 PNT03 Ed2
Sangre periférica <i>Peripheral blood</i>	Análisis de mutaciones en Síndrome de Leiomiomatosis Hereditaria y Cáncer de Células Renales por Secuenciación Sanger (gen <i>FH</i> )  <i>Analysis of hereditary leiomyomatosis and renal cell cancer mutations by Sanger sequencing (gene FH)</i>	Procedimiento interno PNT12 Ed5 PNT03 Ed2
Sangre periférica ó ADN de sangre  <i>Peripheral blood or DNA from blood</i>	Análisis de mutaciones en genes responsables de síndromes de cáncer hereditario en familiares a riesgo con mutación previamente caracterizada en la familia. (*) Secuenciación Sanger  <i>Analysis of mutations in genes responsible for hereditary cancer syndromes in familiars at risk with a previously characterized mutation in their families. (*)</i> <i>Sanger sequencing</i>	Procedimiento interno PNT04 Ed2 PNT03 Ed2 PNT13 Ed2

(\*) El laboratorio dispone de la Lista de Análisis según NT-48  
*According to NT-48 the list of analysis is available from the laboratory upon request*

*The present technical annex is subject to possible modifications. The validity status of the accreditation can be confirmed in [www.enac.es](http://www.enac.es)*

**Código Validación Electrónica:** F5H6L713c8M4Kik076

La acreditación mantiene su vigencia hasta notificación en contra. La presente acreditación está sujeta a modificaciones, suspensiones temporales y retirada. Su vigencia puede confirmarse en <https://www.enac.es/web/enac/validacion-electronica> o haciendo clic **aquí**